

Podlimitní veřejná zakázka zadávána ve zjednodušeném podlimitním řízení

Reagencie pro přípravu NGS knihoven pro Ústav klinické imunologie a alergologie LF MU - rámcová dohoda 2025-2027

Vysvětlení, změna, doplnění zadávací dokumentace č. 2

Vážená paní, vážený pane,

Masarykova univerzita, Lékařská fakulta, Kamenice 753/5, 625 00 Brno, IČ 00216224, fakulta veřejné vysoké školy podle zákona č. 111/1998 Sb., o vysokých školách, v platném znění, nezapsaná v obchodním rejstříku (dále jen „zadavatel“), si dovoluje dle ustanovení § 99 zákona č. 134/2016 Sb., o zadávání veřejných zakázek, v platném znění (dále jen „ZZVZ“), vysvětlit, změnit nebo doplnit zadávací dokumentaci této veřejné zakázky.

Zadavatel obdržel dne 17. 3. 2025 prostřednictvím elektronického nástroje E-ZAK žádosti dodavatelů o vysvětlení zadávací dokumentace následujícího znění:

1) Dotaz č. 1:

Ze znění zadávací dokumentace nelze objektivně určit výši nákladů spojených s realizací validačního experimentu v rámci podání nabídky. Chybí specifikace parametrů, jako jsou například objem dat v gigabajtech na vzorek, požadovaná hloubka pokrytí (coverage), velikost capture regionu, typ sekvenační platformy a použitá sekvenační chemie.

Žádáme proto o poskytnutí kompletního seznamu veškerých požadavků na podmínky realizačního validačního experimentu. Zároveň Vás zdvořile žádáme o specifikaci všech hodnotících kritérií, na jejichž základě bude posuzována kompatibilita navrhovaného řešení s hybridizačním protokolem.

Odpověď zadavatele:

Hybridizační krok není součástí předmětu plnění a bude následně proveden s využitím vlastních sond a reagenčních setů z rodiny KAPA HyperCapture (Roche). Z důvodu zajištění kompatibility s hybridizačním krokem je účastník povinen průkazně doložit (poskytnutím fastq souborů z provedeným validačních runů na minimálně 96 vzorcích DNA), že nabízené reakční sety poskytují kvalitativně srovnatelné výsledky.

Požadujeme minimálně 400.000 „pair-end reads“ na vzorek, s délkou čtení minimálně 2x75 bp, na platformě Illumina nebo Aviti.

Splnění kompatibility navrhovaného řešení s hybridizačním krokem bude posuzováno na základě zachytu klinicky významných variant (jednonukleotidové varianty, delece/duplikace v rozsahu 1-100 nt, velké delece / duplikace (copy number variation, CNV)) v genech asociovaných s poruchami metabolismu lipidů a shodně stanoveného polygenního skóre (PRS) odvozeného od Talmud et al. Lancet (2013).

Za klinicky významné varianty se považují varianty hodnoceny jako varianty nejasného významu, pravděpodobně patogenní nebo patogenní na základě specifických kritérií (Richards S. et al. Genetics in Medicine, 2015; Chora J.R. et al. Genetics in Medicine, 2022).

Požadavek na kompatibilitu navrhovaného řešení s hybridizačním krokem je splněn v případě prokázání 100 % shody s dříve analyzovanými vzorky.

- 2) Zadávací podmínky této veřejné zakázky zůstávají beze změn.

S pozdravem

prof. MUDr. Martin Repko, Ph.D.
děkan LF MU

v z. pro účely el. podpisu
Ing. Marek Buriška
manažer veřejných zakázek